



ЦЕНТР ЭКО

## ПОКАЗАНИЯ К ХМА:

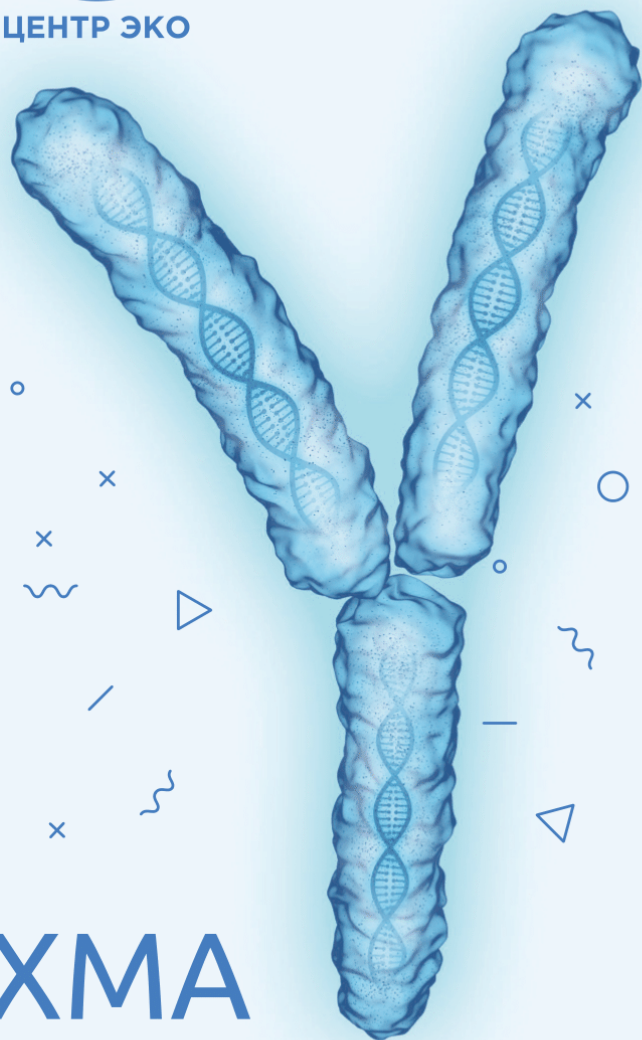
- Невынашивание беременности наблюдалось более, чем один раз;
- Невынашивание беременности произошло впервые, но у семейной пары есть желание выяснить возможную генетическую причину;
- Во время прошлых беременностей у плода были выявлены множественные пороки развития;
- В семье есть ребенок с хромосомной патологией.

📍 г. Архангельск, ул. Суфтина, 18  
(8182) 60-03-03 | 44-64-64

ИМЕЮТСЯ ПРОТИВОПОКАЗАНИЯ,  
НЕОБХОДИМА КОНСУЛЬТАЦИЯ СПЕЦИАЛИСТА



ЦЕНТР ЭКО



# ХМА

## ХРОМОСОМНЫЙ МИКРОМАТРИЧНЫЙ АНАЛИЗ

🌐 [arheco.ru](http://arheco.ru)

📱 [avaklinik](https://www.avaklinik.ru)

## ХРОМОСОМНЫЙ МИКРОМАТРИЧНЫЙ АНАЛИЗ ПРИ НЕРАЗВИВАЮЩЕЙСЯ БЕРЕМЕННОСТИ ПО 46 ХРОМОСОМАМ

70% беременностей прекращают свое развитие по причине хромосомных аномалий (ХА). В большинстве случаев, это случайные хромосомные аномалии, связанные с общепопуляционным возрастным риском, то есть риск есть у любой женщины, но выше он становится с возрастом. В ряде случаев обнаруженные хромосомные аномалии могут быть унаследованы от одного из родителей. Поэтому при возникновении неразвивающейся беременности пациентке может быть предложен анализ абортивного материала на хромосомные аномалии.

## ЧТО ПОЗВОЛИТ ТАКОЙ АНАЛИЗ ВЫЯВИТЬ?

Главное - беременность замерла по причине ХА или нет. Если у эмбриона будет обнаружена ХА, это объяснит остановку развития эмбриона/плода. А также позволит сделать вывод о случайности этого события или будет являться поводом для обязательного кариотипирования родителей (в зависимости от типа выявленной хромосомной аномалии).

К ограничениям анализа относится невозможность выявления мозаицизма, полиплоидии, сбалансированных транслокаций, а также микроделеций и микродупликаций за пределами разрешающей способности метода.

---

## КАК ПРОИСХОДИТ ХМА?

Хромосомный микроматричный анализ представляет собой сложную молекулярную технологию, при которой проводится полногеномная амплификация с последующим анализом наличия множества отдельных фрагментов генома с использованием специально подготовленной микроматрицы (ДНК-ЧИПа). Методика позволяет проанализировать одновременно более 250 тяжелых генетических синдромов, которые невозможно выявить стандартным методом кариотипирования.